

**ЭНТЕРОФЛОР® ДЕТИ**  
 Результат исследования

ФИО:

ПОЛ:

ДАТА РОЖДЕНИЯ: 15.01.2021

ДАТА ВЗЯТИЯ БИОМАТЕРИАЛА: 21.02.2023

ИДЕНТИФИКАТОР КОНТЕЙНЕРА: Образец\_1

ВРАЧ:

**СОСТОЯНИЕ МИКРОБИОТЫ КИШЕЧНИКА****Статус: НОРМОБИОЗ (ЭУБИОЗ)**

Доля нормальной микробиоты в пределах нормы – **99.9%**. Общее количество бифидобактерий в пределах нормы – **8.3 Lg (ГЭ/г)\***. Таксономическое разнообразие нормальной микробиоты в пределах нормы - **14**. Доля метаболически активных видов бифидобактерий в пределах нормы – **более 10%**. Представители *Lactobacillaceae* отсутствуют. Представители таксона *Bacteroidetes* присутствуют. Доля условно-патогенной микробиоты в пределах нормы – **0.1%**. Порядок *Enterobacterales* представлен *E.coli*. Выявлен(-ы) *Staphylococcus aureus* в количестве, превышающем пороговое значение. Количество дрожжевых грибов в пределах нормы – **4.9 Lg (ГЭ/г)\***.

ВАЖНО: интерпретация результатов должна производиться строго лечащим врачом

ПОКАЗАТЕЛЬ	РЕЗУЛЬТАТ	РЕФЕРЕНТНЫЙ ИНТЕРВАЛ	ЕДИНИЦА ИЗМЕРЕНИЯ
<b>Общее количество бактерий (ОБМ)</b>	9.0*	> 6	Lg (ГЭ/г)
<b>Нормальная микробиота</b>			
доля	99.9	≥ 80	%
разнообразие, количество таксонов	14	≥ 10	шт
<b><i>Bifidobacterium spp.</i></b>			
общее количество	8.3*	> 5.6	Lg (ГЭ/г)
метаболически активные виды, доля	> 10	≥ 10	%
метаболически активные «детские» виды, доля**		Не оценивается в данном возрасте	
метаболически активные «детские» виды, разнообразие		Не оценивается в данном возрасте	
<b><i>Lactobacillaceae</i>, количество</b>	-	> 0.0	Lg (ГЭ/г)
<b><i>Bacteroidetes</i>, наличие</b>	выявлено	выявлено	
<b><i>Firmicutes/Bacteroidetes</i>, соотношение</b>	45.9	≥ 1.5	
<b>Дрожжевые грибы, количество</b>	4.9*	< 6.5	Lg (ГЭ/г)
<b>Условно-патогенная микробиота (патобионты), доля</b>	0.1	< 20	%
<b>Маркеры патогенности и резистентности, наличие</b>			
патогенные представители <i>Enterobacterales</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>Clostridiooides difficile</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>cdtA, cdtB</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>Staphylococcus aureus</i>	<b>ВЫЯВЛЕНО</b>	не выявлено	
<i>tecA</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>Streptococcus agalactiae</i> с <i>srr2</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>Candida albicans</i>	не выявлено	не выявлено	

Дата выполнения исследования: 21.02.2023

Исследование выполнил \_\_\_\_\_ ( Фамилия И.О.)

\* приведены значения Lg X – означает 10<sup>X</sup>

\*\* указано значение доли от суммы метаболически активных бифидобактерий

ФИО:

ИДЕНТИФИКАТОР КОНТЕЙНЕРА:

ДАТА ВЗЯТИЯ БИОМАТЕРИАЛА:

Образец\_1

21.02.2023

ПОКАЗАТЕЛЬ	РЕЗУЛЬТАТ АБСОЛЮТНЫЙ, Lg (ГЭ/г кала)*	РЕЗУЛЬТАТ ОТНОСИТЕЛЬНЫЙ, %
<b>Общее количество бактерий</b>	<b>9.0</b>	
<b>НОРМАЛЬНАЯ МИКРОБИОТА</b>	<b>8.9</b>	<b>99.9</b>
<b>Actinobacteria</b>		
Bifidobacterium spp	8.3	23.1
Метаболически активные виды бифидобактерий, доля		> 10
Метаболически активные «детские» виды**	7.6	89.6
Bifidobacterium longum subsp. infantis	-	-
Bifidobacterium longum subsp. longum	7.5	64.1
Bifidobacterium bifidum	7.1	25.5
Bifidobacterium breve	4.2	< 0.1
Метаболически активные «взрослые» виды**	6.7	10.4 ↘
Bifidobacterium adolescentis	5.0	0.2
Bifidobacterium catenulatum ssp	6.7	10.2
Bifidobacterium animalis subsp. lactis	3.5	< 0.1
Bifidobacterium dentium	-	-
Coriobacteriia	7.4	2.9
<b>Firmicutes</b>		
Clostridium leptum gr	8.6	46.1
Dialister+Allisonella+Megasphaera+Veillonella	6.7	0.6
Faecalibacterium prausnitzii	7.0	1.2
Lachnospiraceae	8.3	23.1
Lactobacillaceae	-	-
Streptococcus spp	6.8	0.7
Lactococcus lactis	4.8	< 0.1
<b>Bacteroidetes</b>		
Alistipes spp	6.3	0.2
Bacteroides spp	6.9	0.9
Butyrimonas spp	-	-
Parabacteroides spp	5.2	↘ < 0.1
Prevotella spp	6.5	0.4
<b>Другие бактерии</b>		
Akkermansia muciniphila	6.8	0.7
Desulfovibrio spp	5.5	< 0.1
Methanobrevibacter spp	-	-
<b>Разнообразие, количество таксонов:</b>	<b>14</b>	
<b>Соотношение Firmicutes/Bacteroidetes:</b>	<b>45.9</b>	
<b>УСЛОВНО-ПАТОГЕННАЯ МИКРОБИОТА (ПАТОБИОНТЫ)</b>	<b>5.7</b>	<b>0.1</b>
Clostridium difficile gr	-	-
Clostridium perfringens gr	4.4	< 0.1
Enterobacteriales	4.8	< 0.1
E.coli	4.3	< 0.1
Enterococcus spp	5.1	< 0.1
Erysipelotrichaceae	5.4	< 0.1
Fusobacteriaceae	-	-
Peptoniphilaceae	4.6	< 0.1
Pseudomonas spp	-	-
Staphylococcus spp	4.4	< 0.1
<b>МАРКЕРЫ ПАТОГЕННОСТИ И РЕЗИСТЕНТНОСТИ</b>		
Clostridioides difficile	-	-
cdtA cdtB	-	-
Staphylococcus aureus	4.3	< 0.1
mecA	-	-
Streptococcus agalactiae	-	-
srr2	-	-
<b>ДРОЖЖЕВЫЕ ГРИБЫ</b>		
Candida spp	4.9	
C.albicans	-	

\* приведены значения Lg X – означает  $10^X$ 

\*\* указано значение доли от суммы метаболически активных бифидобактерий